

第八届长三角作物学博士论坛

2015 年 10 月 30 日 – 11 月 2 日

浙江大学研究生院 主办 浙江大学农业与生物技术学院 承办

会议日程

10月30日 大会报到；地址：浙江大学紫金港国际饭店
10月31日 大会开幕式、报告；地址：浙江大学紫金港大酒店7楼港湾厅会议室

主持人	时 间	报告人	单 位	报告题目
张国平	08:30 – 09:30	大会开幕式、合影		
蒋立希	09:30 – 10:00	马建锋	日本冈山大学	My challenge to mineral transport for better and safe crop production
	10:00 – 10:30	谢志新	美国德克萨斯理工大学	Small RNAs in Plants: what do we know after 15 years of their discovery?
	10:30 – 10:45	茶歇、墙报展览		
	10:45 – 11:05	樊龙江	浙江大学	The role of non-coding RNAs in crop domestication and improvement
	11:05– 11:25	王秀娥	南京农业大学	小麦远缘种质创新与利用
	11:25 – 11:45	严长杰	扬州大学	利用CSSL定位和克隆控制稻米蛋白质含量的关键QTL
严长杰	11:45 – 13:30	自助午餐		
	13:30 – 13:45	陈杰丹	南京农业大学	Sequence-based ultra-dense genetic and physical maps reveal structural variations of allopolyploid cotton genomes
	13:45 – 14:00	陈锐	石河子大学	水分调控对滴灌春小麦根系特征、地上部及产量的影响
	14:00 – 14:15	胡雅杰	扬州大学	机插方式和密度对不同穗型水稻品种产量及其形成的影响
	14:15 – 14:30	黎飞飞	西北农林科技大学	小麦愈伤组织再生相关基因 <i>TaTCP-1</i> 的克隆及功能鉴定
	14:30 – 14:45	林云	南京农业大学	<i>TOP BENDING PANICLE 1</i> , a new allele of <i>OsBAK1</i> , is involved in brassinosteroids signaling in rice and regulates the plant architecture
	14:45 – 15:00	刘涛	扬州大学	Image-analysis-based Evaluation of Wheat Growth Status
	15:00 – 15:15	刘鑫	浙江大学	Development of high-lysine rice via endosperm-specific expression of a foreign <i>LYSINE RICH PROTEIN</i> gene
	15:15 – 15:30	茶歇、墙报展览		
冯永忠	15:30 – 15:45	栾海业	扬州大学	大麦耐湿的生理机理及蛋白质组学基础研究
	15:45 – 16:00	缪军	扬州大学	Natural variations in <i>SLG7</i> regulate grain shape in rice
	16:00 – 16:15	牛二利	南京农业大学	Genome-wide investigation of COBRA-Like gene family in cotton and functional characterization of two COBRA-Like genes
	16:15 – 16:30	牛梅	南京农业大学	<i>ALBINO LEAF and GROW RETARDATION (alr)</i> is critical for vegetative and chloroplastid development in rice (<i>Oryza sativa</i> L.)
	16:30 – 16:45	Sheteiwy M Salah	浙江大学	Seed priming with polyethylene glycol regulating the physiological and molecular mechanism in rice (<i>Oryza sativa</i> L.) under nano-ZnO stress
	16:45 – 17:00	沈秋芳	浙江大学	Insights into salt tolerance mechanism associated with ion homeostasis in barley
	17:00 – 17:15	宋齐鲁	西北农林科技大学	亚细胞蛋白质组学探究杀雄剂SQ-1诱导小麦生理型雄性不育机制
	17:15 –	自助晚餐		

11月1日 学术报告、大会闭幕式；地址：浙江大学紫金港大酒店7楼港湾厅会议室

主持人	时 间	报告人	单 位	报告题目
万素梅	08:00 – 08:15	孙挺	南京农业大学	Simulating the effect of post-anthesis heat stress on rice growth and yield formation
	08:15 – 08:30	王月	扬州大学	黄/褐籽甘蓝型油菜差异表达基因的筛选及其功能验证
	08:30 – 08:45	伍维模	塔里木大学	区域土壤DTPA-Zn空间分布及农作物缺锌的潜在风险
	08:45 – 09:00	玄立杰	浙江大学	Flavonoids negatively regulate seed oil content via sucrose competition and auxin accumulation
	09:00 – 09:15	杨晓菲	西北农林科技大学	普通小麦-滨麦衍生系的创制及其分子细胞遗传学分析
	09:15 – 09:30	姚贺盛	石河子大学	种植密度对棉花冠层光分布、光合氮素利用效率和群体光合特性的影响
	09:30 – 09:45	张国龙	石河子大学	滴灌棉田棉蚜信息快速监测预警技术的研究
徐建红	09:45 – 10:00	茶歇、墙报展览		
	10:00 – 10:15	赵冬生	扬州大学	Map-based cloning and functional analysis of <i>AL1</i> , a albino seedling lethality gene in rice
	10:15 – 10:30	赵倩	浙江大学	The starch fine structure and enzyme activities related to starch synthesis in RNAi-SSI and RNAi-SSIIa rice(<i>Oryza sativa</i> L.) plants responding to high temperature
	10:30 – 10:45	仲迎鑫	南京农业大学	Starch granule morphology and pasting properties variations in wheat near-isogenic lines with different null <i>waxy</i> alleles
	10:45 – 11:00	周丽媛	浙江大学	棉花产量性状关联分析揭示位点杂合优势的重要性
	11:00 – 11:15	朱燕飞	新疆农业大学	线果芥抗旱基因 <i>CpNSPIlike</i> 基因的克隆
舒庆尧	11:15 – 11:30	茶歇、墙报展览		
	11:30 – 12:00	颁奖、大会闭幕式		
	12:00 – 13:30	自助午餐		
	14:00 – 17:00	实验室参观（农生环大楼A座）		
	17:00 –	自助晚餐		

11月2日 离会

